



مركز الملك سلمان لأبحاث الإعاقة

King Salman Center For Disability Research

Science Benefiting People

علم ينفع الناس

2018 التقرير العلمي

علم ينفع الناس

برامج الأبحاث المتقدمة

الوصول الشامل

برنامج الوصول الشامل

برنامج الصمم
وضعاف السمع



جائزة الملك سلمان لأبحاث الإعاقة
King Salman Award For Disability Research



التوحد
autism



@kscdr



pscdrinfo



www.kscdr.org.sa



وَقُلْ اَعْمَلُوا فَسَيَرَى اللّٰهُ
عَمَلَكُمْ وَرَسُولُهُ وَالْمُؤْمِنُونَ

سورة التوبة الآية ١٠هـ



مركز الملك سلمان لأبحاث الإعاقة

تم دعم مركز الملك سلمان لأبحاث الإعاقة كمؤسسة بحثية غير ربحية يديرها مجلس إدارة يؤمن بأن الأشخاص ذوي الإعاقة لهم الحق في تحسين نوعية حياتهم وأعطائهم كل الفرص الممنوحة للأشخاص غير المعوقين ليكون مركزاً ذا دور بارز في المساعدة في تقليل العبء الاجتماعي والاقتصادي لآثار الإعاقة والمساعدة على تحويل الأشخاص ذوي الإعاقة ومتلقي الرعاية لمنتجين فعالين بالمجتمع.

وبلا شك، إن مركز البحث العلمي هو أداة قوية من شأنها أن تساعد على تحقيق نوعية أفضل من الحياة. ولتحقيق شعار المركز **«علم ينفع الناس»** تم اتخاذ إجراءات لرعاية وتنسيق وتمويل البحوث العلمية والأنشطة الأكاديمية التي يستهدف من خلالها إيجاد الحلول للمشكلات الطبية والبدنية والنفسية والتربوية، والاجتماعية والتأهيلية التي ستعود بالفائدة على المجتمع المحلي على وجه التحديد، والعالمي بشكل عام.

اتفاقية الأمم المتحدة لحقوق الأشخاص ذوي الإعاقة (UNCRPD) تعرف الإعاقة بأنها «مفهوم متطور»، والتي تؤكد أيضاً أن «الإعاقة تحدث بسبب التفاعل بين الأشخاص المصابين بإعتلال والعوائق العمرانية والبيئات المحيطة التي تحول دون مشاركتهم مشاركة كاملة وفعالة في المجتمع على قدم المساواة مع الآخرين». تشير التقديرات إلى أن ١٥٪ من سكان العالم (٧٨٥,٠٠٠,٠٠٠ شخص) لديهم إعاقة جسدية أو عقلية حادة، بما في ذلك حوالي ٥ في المئة من الأطفال (التقرير العالمي حول الإعاقة ٢٠١١ - تقرير أعد بالاشتراك مع منظمة الصحة العالمية والبنك الدولي).

تعد الأبحاث عامل مهم في دراسة الوضع الراهن حول قضايا الإعاقة وإيجاد الحلول اللازمة لها للوقاية منها أو تقديم علاجات أو استراتيجيات لتخفيف آثار الإعاقة، وتوضيح سياسات وبرامج الإعاقة، وزيادة كفاءة تخصيص الموارد. قدم التقرير العالمي حول الإعاقة توصيات محددة لعدة محاور للبحث العلمي عن الإعاقة بما في ذلك:

- تأثير العوامل البيئية (السياسات والبيئات المحيطة و البيئات العمرانية) على الإعاقة وكيفية قياسه.
- جودة ورفاهية حياة الأشخاص ذوي الإعاقة.
- معوقات تقديم الخدمات ما يجب عمله للتغلب عليها .
- برامج الوصول والتصميم الشامل المناسبة لمحدودي الدخل.
- التفاعل بين العوامل البيئية والظروف الصحية والإعاقة - والعلاقة بين الإعاقة والفقر.
- فعالية ترشيد الإنفاق العام على برامج الإعاقة.

برامج الأبحاث المتقدمة

التنبؤ بالإعاقة الحركية لدى كبار السن من الذكور في أستراليا	8
البرنامج البحثي الشامل للدراسات الجزيئية للاضطرابات القنوية الوراثية في المملكة العربية السعودية	10
برنامج العوامل الوراثية للعمى وضعف الإبصار في المملكة العربية السعودية	14
التوصيف الوراثي لأمراض الصمم وضعف السمع	24



التنبؤ بالإعاقة الحركية لدى كبار السن من الذكور في أستراليا

الاستنتاج

التقدم في السن ووصف المريض لحالته الفيزيائية والحركية من أهم العوامل التي تحدد وترتبط بحدوث محدودية في النشاط أو نوع من الإعاقة في المستقبل

المحقق الرئيسي

احمد حبتز

المنشورات

في انتظار رد من مجلة الجمعية الأمريكية للشيخوخة (JAGS). إذا لم يتم قبولها، سوف يقدم إلى المجلة الأسترالية للشيخوخة (AJA)

Univariate for baseline and 2 yrs (all outcome variables)

Variable	Subgroup	Katz				5 times chair stands				Walking speed			
		Baseline		2 years follow up		Baseline		2 years follow up		Baseline		2 years follow up	
		Standardized coefficients (β)	P value	Standardized coefficients (β)	P value	Standardized coefficients (β)	P value	Standardized coefficients (β)	P value	Standardized coefficients (β)	P value	Standardized coefficients (β)	P value
Age		1.12	<0.001	1.14	<0.001	1.12	<0.001	1.1	<0.001	-0.32	<0.001	-0.14	0.001
Lives alone (Y/N)		1.07	0.77	1.18	0.52	1.41	0.009	0.37	0.83	-0.06	0.02	0	0.5
Number of comorbidities										-0.15	<0.001	-0.1	0.009
	None	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference				
	4 or less	2	0.12	2.85	0.04	2.56	<0.001	1.66	0.05				
	More than 4	5.57	<0.001	6.28	0.001	5.83	<0.001	2.06	0.03				
Currently married (Y/N)		0.91	0.63	1	0.97	1.3	0.03	1.01	0.94	0.08	0.002	0.04	0.18
Social interaction (high/low)		2.67	<0.001	1.65	0.02	1.78	<0.001	1.4	0.03	0.16	<0.001	0.07	0.05
Satisfaction with social support (high/low)		2.36	<0.001	1.75	0.01	1.8	<0.001	1.14	0.5	0.09	<0.001	0.04	0.19
Level of education										0.18	<0.001	0.04	0.15
	Post school education	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference				
	Did not go to school	1.71	0.48	2.92	0.17	1.02	0.97	0.49	0.5				
	Went to school	1.93	<0.001	2.06	0.001	1.39	0.002	1.71	<0.001				
Smoking										-0.04	0.06	-0.09	0.02
	Never	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference	Reference				
	Ex-smoker	1.22	0.3	1.2	0.39	1.11	0.33	1.12	0.49				
	Current	0.66	0.34	1	1	1.24	0.34	2.07	0.02				

مع ازدياد عدد كبار السن كان هناك ازدياد مطرد في نسبة الإعاقة وتكاليف الرعاية الصحية أدى ذلك إلى ضرورة دراسة أسباب حدوث هذه الاعاقات بهدف تجنبها والحد منها إضافة الى المساهمة في تخطيط توزيع الموارد والخدمات الصحية

النتائج:

طريقة البحث:

هذا البحث من الأبحاث المستقبلية والذي استهدف شريحة من كبار السن من الذكور يسكنون في منطقة كونكورد في سيدني بأستراليا. من يناير عام 2005 الى يونيو 2007 تم التواصل مع 2815 شخص أعمارهم 70 سنة وأكثر. إضافة الى من تم التواصل معهم بادر 194 شخصا بالمشاركة بعد سماعهم عن الدراسة عن طريق الإعلام المحلي. تم استبعاد الأشخاص الذين يسكنون في دور الرعاية. تمت معاينة وفحص الأشخاص في البداية ثم بعد عامين.

القياسات:

وقد استخدم مجموعة من 24 متغيرا مستقلا في التحليل الأحادي المتغيرات، وأُدرجت عوامل هامة في التحليل المتعدد المتغيرات.

1367 شخصا اتموا الدراسة. أغلبهم كانت أعمارهم 75 سنة او اقل، نشيطين اجتماعيا قدراتهم الذهنية طبيعية. عانى عدد لا بأس به من نوع من محدودية الأنشطة سواء كان في أداء مهامهم اليومية (91.6%) أو القيام والجلوس المتكرر (31.4%) أو المشي السريع (32.9%). أظهرت التحليلات التفصيلية ان التقدم في السن والمستوى التعليمي وعدد الأدوية التي يستخدمها الشخص وسرعته في المشي وقدرته الذهنية مرتبطة ارتباطا شديدا مع محدودية الأنشطة في أداء المهام اليومية. إضافة إلى ما تم ذكره فان نوعية الأدوية المستخدمة وليس عددها فقط إضافة إلى قوة القبضة اليد لديهما ارتباط وثيق مع محدودية النشاط فيما يخص القيام المتكرر من وضعية الجلوس والسرعة في المشي.

البرنامج البحثي الشامل للدراسات الجزيئية للاضطرابات القنوية الوراثية في المملكة العربية السعودية

إنجازات ٢٠١٨

- تم الانتهاء من توظيف فنيي المختبر وتدريبهم على الأجهزة والجوانب العملية للتجارب الجزيئية.
- اختيار المرضى والأسر المشاركة بالدراسة بالتنسيق مع العيادات المعنية.
- التحقق من الأشخاص المصابين والذين لديهم طفرات وراثية في GLRB، NALCN، و KCNA4 (جدول 1).
- شرع الفريق البحثي في الدراسات الجزيئية لتوصيف وتحديد النتائج الوظيفية لهذه الطفرات في النماذج الخلوية وفي الإنسان.
- التحليل الوراثي الأساسي للمرضى وأسرهم وشمل ذلك دراسات الجينوم وتسلسل الإكسوم و المورثات المستهدفة
- النتائج الأولية بينت طفرات جديدة في المرضى السعوديين وشملت المورثات التالية KCTD7 و KCNT1 و SLC1A2 و KCNQ2 (جدول 2).
- تم تحديد نوعاً وراثياً جديداً في إحدى القنوات الغشائية، والتي قد تكون متلازمة جديدة للاعتلالات القنوية.
- إنشاء قاعدة بيانات تتضمن هذه العائلات، والسمات السريرية، والمورثات المسببة للمرض، وأنواع الطفرات المحتملة.

أهداف البحث:

- إجراء التحاليل السريرية للمصابين بالاضطرابات القنوية الوراثية في المملكة العربية السعودية
- تحديد العوامل الوراثية (طفرات في الجينات المعروفة وكذلك جينات جديدة) المسببة للإضرابات القنوية الوراثية وخصوصا المتنحية منها.
- إنشاء قاعدة بيانات شاملة للطفرات الوراثية لأمراض الإضرابات القنوية الوراثية
- اعداد لوحة شاملة للجينات المكتشفة للاستفادة منها في الفحص السريع للمرضى ونواقل للطفرات لتشخيص المرضى بالمملكة العربية السعودية، وتسهيل التشخيص قبل الولادة والتشخيص الوراثي.
- اعداد تصور لشبكات التفاعل الجيني والممرات باستخدام تحليلات الجينوم التكاملية الشاملة على أساس المتغيرات الجينومية، وعوامل وراثية اخرى.

الاضطرابات القنوية الوراثية هي مجموعة غير متجانسة من حالات العجز واضطرابات ناتجة عن خلل في الجهد الكهربائي المختلفة أو القنوات الأيونية. لا توجد إحصائيات متوفرة عن عدد الأشخاص المصابين بهذه المجموعة من الأمراض، مما يصعب التحقق من معدلات الإصابة الحقيقية بالاضطرابات القنوية الوراثية في المملكة العربية السعودية، فمن المتوقع أن تكون الاعداد عالية وذلك لشمول الاضطرابات القنوية الوراثية لأمراض الجهاز العصبي، ونظام الغدد الصماء، وأمراض القلب والأوعية الدموية، والجهاز المناعي، والجهاز التنفسي، والجهاز البولي، والتي تمثل عبء اقتصادي على النظام الصحي.

إن البرنامج الشامل للكشف والتشخيص المبكر عن هذه الامراض يتيح فعالية اعلى للتدخل العلاجي وبالتالي ينعكس ايجابيا على الجانب الصحي والاجتماعي والاقتصادي. يعمل الباحثون للاستفادة من التقنيات الحديثة للدراسات الوراثية مثل تقنيات التسلسل الجيل التالي والنهج الجزيئي شمولي لتحديد الجينات والطفرات الوراثية الجديدة لأمراض إضرابات القنوية الوراثية، ووضع تصور لشبكات التفاعل جيني والممرات المتصلة بهذه الأمراض والبيولوجيا المرضية الخاصة بهم، وأخيرا تطوير لوحة شاملة للجينات والتي ستستخدم بإذن الله للتشخيص، واختبار الناقل، والتشخيص قبل الولادة والتشخيص قبل الغرس.

المنشورات العلمية

1. Kaya N*, Alhassnan Z, Abdulrahim M, Aldosary M, Colak D "Hereditary Disorders and Human Mutations of Iron-Sulfur Assembly Genes", in Mitochondrial Disease, ISBN 978-953-51-5566-9Book edited by: Dr. Eylem Taskin, Dr. Celal Guven, Dr. Yusuf Sevgiler 2018, DOI: 10.5772/intechopen.78006, InTech Open Access Publisher.
2. Chelban V, Kaya N, Alkuraya FS, and Houlden H NKX6-2 Disorder. GeneReviews, NCBI; In: Adam MP, Ardinger HH, Pagon RA, Wallace SE, Bean LJH, Stephens K, Amemiya A, editors. GeneReviews® [Internet]. Seattle (WA): University of Washington, Seattle; 1993-2018. 2018 Oct 4 .PMID: 30285346
3. Alhassnan Z, Albawardi W, Almutairi F, AlMass R, Albakheet A, Mustafa OM, AlQuait L, Shinwari MA, Wakil S, Salih MA, Al-Fayyadh M, Hassan SM, Aljoufan M, AlNakhli O, Levy B, AlMaarik B, Al-Hakami HA, Alsagob M, Colak D, Kaya N*. Identification of novel genomic imbalances in Saudi patients with congenital heart disease. Mol Cytogenet. 2018 Jan 25;11:9. doi: 10.1186/s13039-018-0356-6. eCollection 2018.

Gene	Chr	Mutation	Phenotype	NAI	IM
NALCN	13q33.1	p.W1287L	Hypotonia, DD	6	AR
GLRB	4q31.3	p.M177R	Hyperekplexia	13	AR
KCNA4	11p14.1	p.R89Q	Cataract, DD	4	AR

AR: Autosomal recessive, DD: Developmental Delay, IM: Inheritance Mode, NAI: Number of Affected Individual, Ref: References

جدول ١

المورثات المستهدفة من خلال الدراسات الأولية والمنشورة محلياً وعالمياً

Gene	Chr	Refer	cDNA	Protein	Status
KCTD7	7q11.21	NM_153033	c.835C>T	p.R278C	Ongoing Work
KCNT1	9q34.3	NM_020822	c.2849G>A	p.R950Q	Ongoing Work
SLC1A2	11p13	NM_004171	c.1466G>C	p.G489A	Ongoing Work
KCNQ2	20q13.33	NM_004518	c.1042G>A	p.A348T	Ongoing Work

جدول ٢

المورثات المكتشفة للاضطرابات القنوية الوراثية

التوجهات المستقبلية:

- سيقوم الفريق البحثي بإضافة المزيد من المرضى وعائلاتهم بالتنسيق مع العيادات المختصة ومواصلة العمل وفق أهداف وخطة المشروع. كما سيقوم الفريق البحثي بإعداد أوراق العمل العلمية لنشرها في المجلات العلمية المتخصصة.

برنامج العوامل الوراثية للعمى وضعف الإبصار في المملكة العربية السعودية

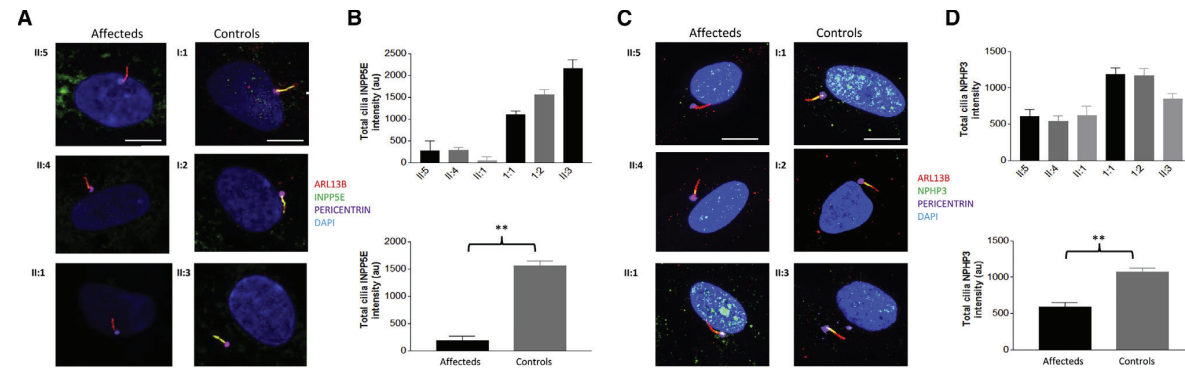
أهداف المشروع

- تحديد المورثات والطفرات الوراثية المسببة للإعاقات البصرية في المملكة العربية السعودية دراسة دور هذه المورثات وفهم طبيعتها وآلية عملها.
- إنشاء قاعدة بيانات لهذه الطفرات من أجل تسهيل تطبيق الفحوصات التشخيصية وفحوصات ما قبل الولادة.

الإنجازات خلال عام ٢٠١٨

خلال السنوات الماضية، ساهم هذا المشروع في اكتشاف العديد من الطفرات الوراثية - المسببة لفقدان البصر أو ضعفه في المملكة العربية السعودية. فيما يلي بعض الإنجازات التي تحققت في عام 2018.

تسهم العوامل الوراثية بنسبة ٧٠٪ من فقدان أو ضعف البصر لدى الأطفال السعوديين، وفي غالبها يورث بصورة متنحية ويعزى ذلك إلى المعدلات العالية من زواج الأقارب. إن الطريقة الأكثر فعالية لمكافحة اضطرابات النظر الوراثية تتم بالوقاية الأولية من خلال التعرف على العوامل الوراثية المسببة لها. وتعتمد الأساليب الوقائية على استخدام تقنيات متقدمة مثل التشخيص الوراثي ما قبل الولادة أو التشخيص الوراثي ما قبل الإنجاب والتي لا يمكن تقديمها دون معرفة مسبقة للمورثات المسببة لفقدان البصر الوراثي.



الشكل

توصيف النمط الظاهري الهدي لطفرة ARL3 في العائلة الثانية.

تم نشر هذا البحث في المجلة العلمية American Journal of Human Genetics

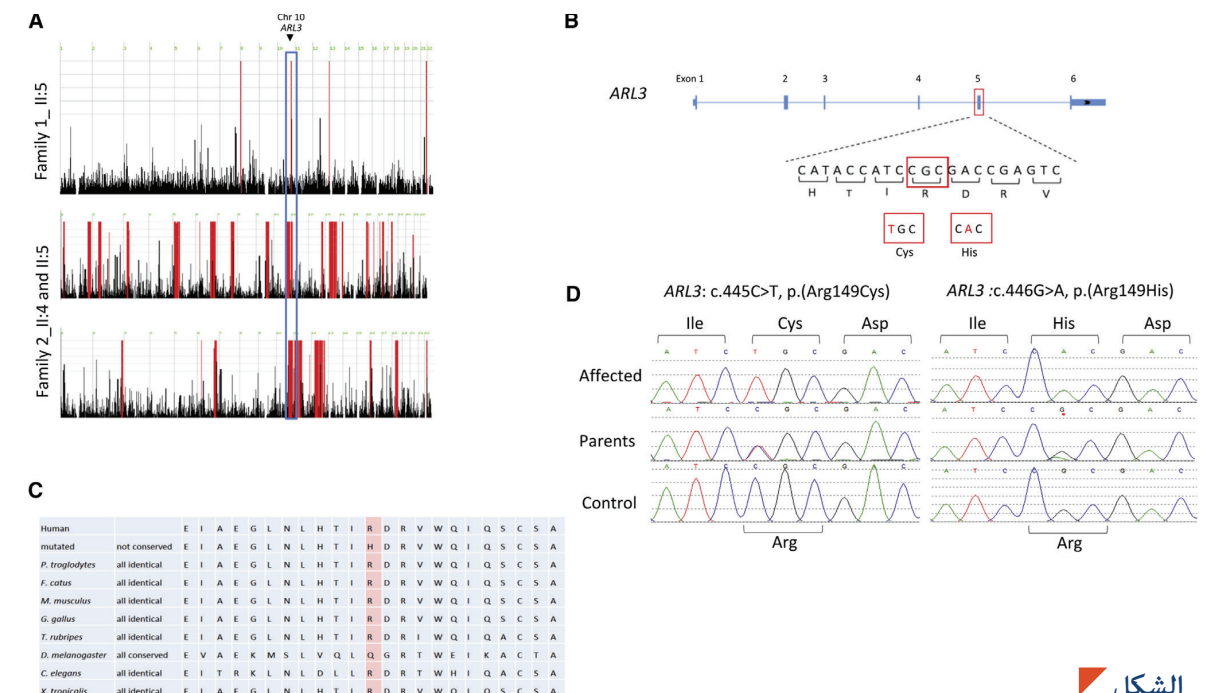
ARL3 mutations cause Joubert syndrome by disrupting ciliary protein composition. Alkanderi S, Molinari E, Shaheen R, Elmaghloob Y, Stephen LA, Sammut V, Ramsbottom SA, Srivastava S, Cairns G, Edwards N, Rice SJ, Ewida N, Alhashem A, White K, Miles CG, Steel DH, Alkuraya FS, Ismail S, Sayer JA. *Am J Hum Genet.* 2018 Oct 4;103(4). PMID: 30269812.

1. الطفرات في الجين ARL3 تسبب متلازمة جوبرت عن طريق تعطيل تكوين البروتين الهدي

متلازمة جوبرت (JBTS) هو اعتلال وراثي عصبي نمائي هدي ويورث بصورة متنحية. هذه الدراسة بحثت في الأسباب الجينية الكامنة وراء متلازمة جوبرت في عائلتين غير مرتبطتين حيث لم تكن متلازمة JBTS لديهم مرتبطة مع أيًا من الطفرات في الجينات المعروفة المرتبطة بـ JBTS.

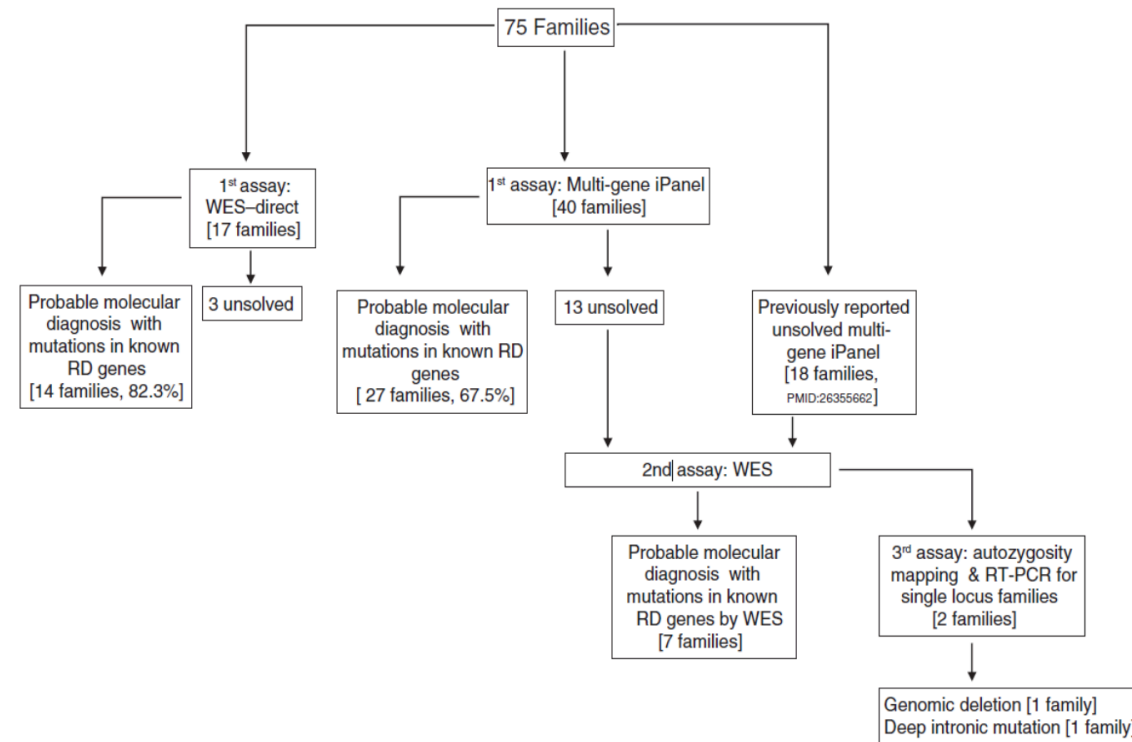
النتائج الرئيسية

- التعرف على جين جديد "ARL3" لمتلازمة جوبرت في عائلة سعودية تشكو من الأعراض الأساسية في العين والدماغ.
- من خلال التعاون الدولي، تم تحديد عائلة ثانية مع طفرة مختلفة في هذا الجين الجديد.
- نجحت هذه الدراسة في تحديد المتغيرات في ARL3 كسبب محتمل لـ JBTS والتي تفيد في إعطاء مؤشرات تكنولوجية للعائلات خاصة في غياب العلاجات المتاحة لهذه المتلازمة.



الشكل

يوضح التحري الجيني العائلي للعائلتين المصابتين بمتلازمة جوبرت



الشكل

يوضح سير الدراسة

تم نشر هذا البحث في المجلة العلمية American Journal of Clinical Genetics

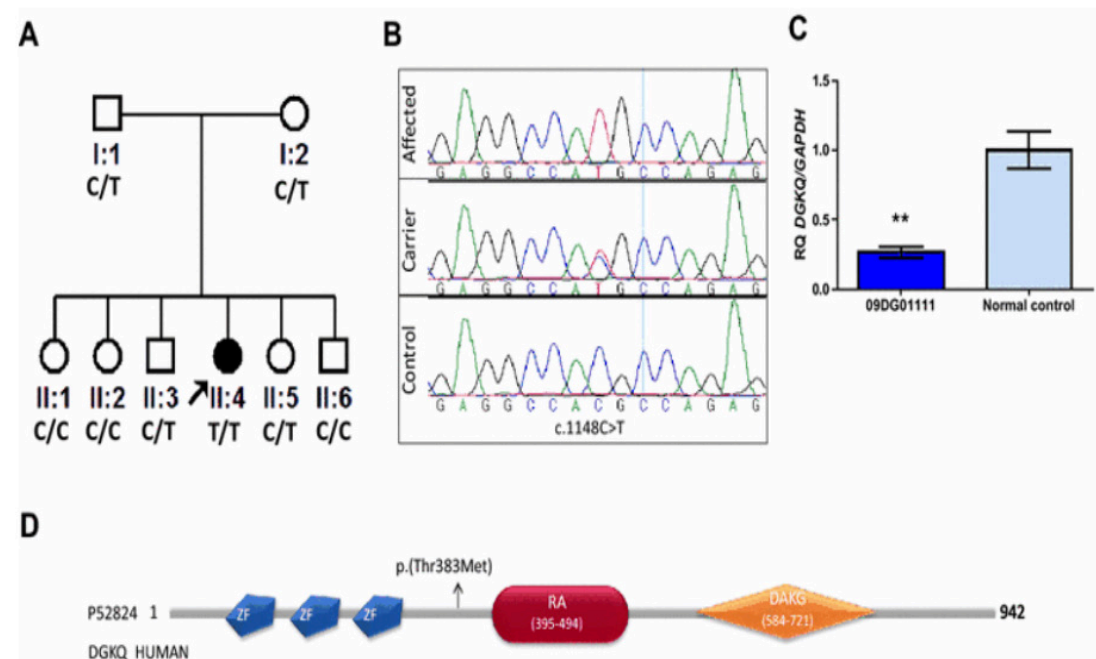
Mutations in known disease genes account for the majority of autosomal recessive retinal dystrophies. Patel N, Alkuraya H, Alzahrani SS, Nowailaty SR, Seidahmed MZ, Alhemidan A, Ben-Omran T, Ghazi NG, Al-Aqeel A, Al-Owain M, Alzaidan HI, Faqeih E, Kurdi W, Rahbeeni Z, Ibrahim N, Abdulwahab F, Hashem M, Shaheen R, Abouelhoda M, Monies D, Khan AO, Aldahmesh MA, Alkuraya FS. *Clin Genet.* 2018 Dec; 94(6):554-563. doi: 10.1111/cge. PMID:30054919.

٢. الطفرات في جينات الأمراض المعروفة تشكل الغالبية من حالات ضمور الشبكية الموروثة بشكل متنحي.

الضمور الشبكي (RDs) عبارة عن حالات عينية وراثية تسبب العمى ويوجد لها أنماط ظاهرية مختلفة. حتى ظهور تقنية الجيل التالي من التسلسل الجيني، كان هناك تحدي كبير في تحديد التشخيص الجزيئي لدى هؤلاء المرضى بسبب التغيرات الوراثية الملحوظة التي تميز RD. إلى الآن من غير الواضح ما هي النسبة المئوية الغير مشخصة لهذا المرض المتنحي عندما يتم الفحص عنه باستخدام التسلسل الوراثي لجميع الجينات المعروفة والمسببة ل RD. في هذه الدراسة، تم تسجيل 75 عائلة جديدة مصابة بضمور الشبكية المتنحي وتم عرض ملخص لهذا الإنجاز.

النتائج الرئيسية

- تم تشخيص 67.5% من خلال قائمة الفحص المحتوية على المورثات المسببة للضمور الشبكي.
- بينما 82.3% تم تشخيصهم بالمرض بسبب مورثات أخرى لم تكن مدرجة في القائمة الأساسية والتي تم اكتشافها عن طريق استخدام تقنية التسلسل الوراثي الكامل للأكسوم.
- وصف 45 نوعاً مختلفاً من الطفرات الوراثية والتي غالباً ما تكون ضارة ومسببة للمرض (منها 18 طفرة جديدة).



الشكل

يوضح التوزيع العائلي للأشخاص المصابين بالجلوكوما الخلقية و أيضا يوضح طفرة DGKQ الجديدة.

تم نشر هذا البحث في المجلة العلمية American Journal of Human Genetics

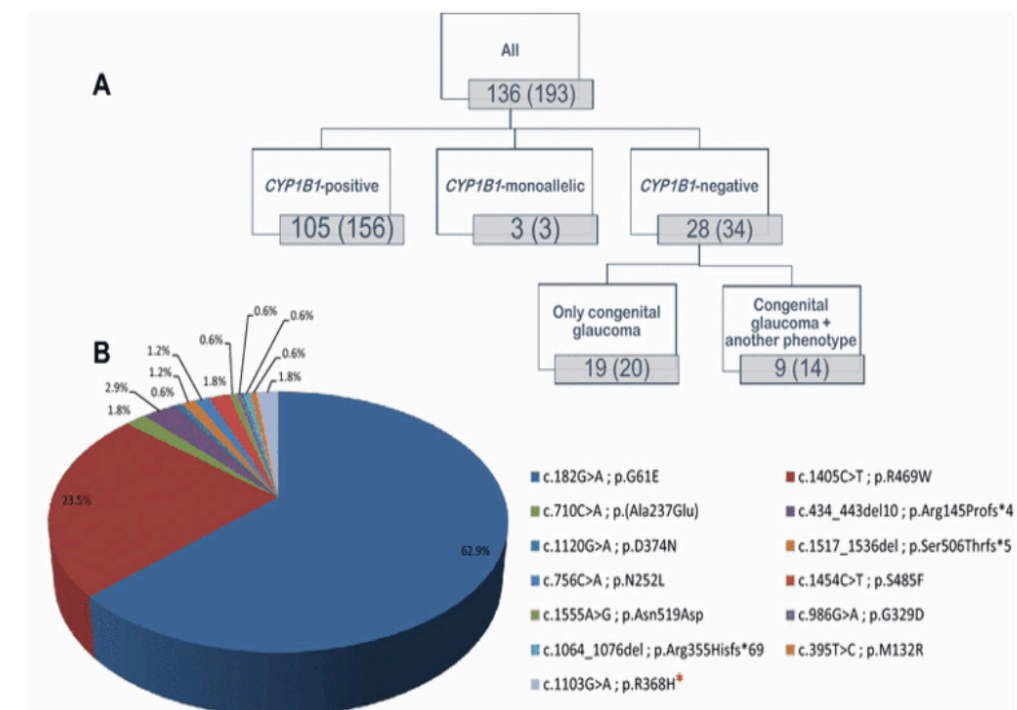
Congenital Glaucoma and CYP1B1: An Old Story Revisited. Hessa S. Alsaif · Arif O. Khan · Nisha Patel · Hisham Alkuraya · Mais Hashem · Firdous Abdulwahab · Niema Ibrahim · Mohammed A. Aldahmesh · Fowzan S. Alkuraya. *Hum Genet.* 2018 Mar 19. doi: 10.1007/s00439-018-1878-z. PMID: 29556725.

3. الجلوكوما الخلقية و CYP1B1:

الجلوكوما الخلقية الأساسية عبارة عن خلل خلقي شبكي يتسبب في زيادة ضغط العين وتلفها. يعد المورث المعروف ب CYP1B1 أكثر مسبب وراثي معروف لمرض الجلوكوما الخلقي، وهو مرض شائع بشكل خاص في المملكة بسبب التوارث العالي جدا للطفرة الاساسية "G61E" ومع ذلك، ظلت العديد من الأسئلة دون إجابة حول الجلوكوما الخلقية المرتبطة بالمورث CYP1B1. في هذه الدراسة، تم استخدام نهج الجينوم الحديث لإعادة فحص الجلوكوما الخلقي المرتبطة ب الجين CYP1B1.

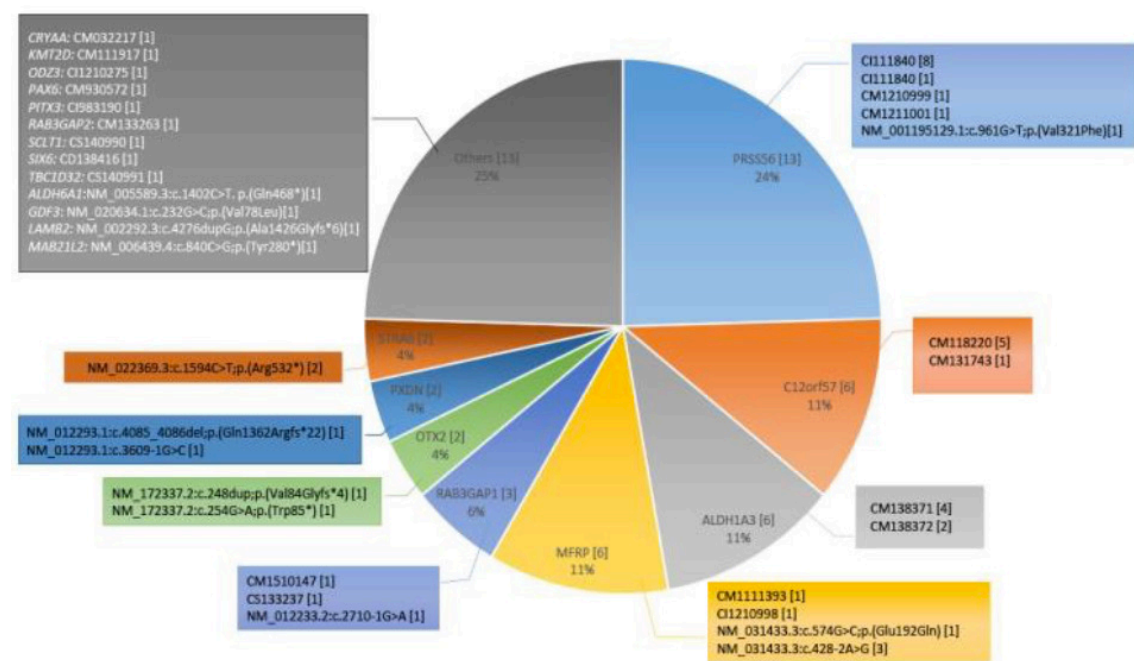
النتائج الرئيسية

- تحديد الطفرات الاليلية الثنائية في المورث CYP1B1 في 80.8 % من بين مجموعة من 193 مريضا (136 عائلة) تم تشخيصهم بمرض الجلوكوما الخلقي.
- خلصت الدراسة من خلال التحليلات الوبائية الوراثية انه من غير المرجح أن تكون الطفرة c.1103G>A (p.R368H) مسببة لمرض الجلوكوما الخلقي كما ذكر سابقاً.
- تم تحديد الطفرات في الجينات المرتبطة بالظواهر البصرية الأخرى، بما في ذلك الجلوكوما ، وتسليط الضوء على الظروف التي قد تتداخل بشكل ظاهري مع الجلوكوما الخلقي الأساسي (SLC4A4, SLC4A11, CPAMD8, and KERA)
- الدراسة اظهرت بعض المتغيرات الوراثية المرضية والتي لم تكن مرتبطة سابقا بأمراض الإنسان مثل : BCO2, TULP2, and DGKQ.



الشكل

وصف طفرات CYP1B1 في العينة المشمولة الدراسة



الشكل

رسم بياني دائري يوضح توزيع الطفرات لـ 21 مورث المسببة للأمراض والمعروفة بتسببها لمرض ميكروثالميا او مرض صغر مقلة العين

4. دراسة وراثية لـ 93 عائلة مصابة بمرض صغر مقلة العين او صغر مقلة العين الخلفية

ميكروثالميا او مرض صغر مقلة العين (Microphthalmia) هو عبارة عن خلل في تطور العين وذو سمة متغيره جدًا في الشدة. على الرغم من اكتشاف العديد من الجينات المؤدية الى صغر في حجم مقلة العين، الا انه هناك ما لا يقل عن 50 % من المرضى يبقون دون تشخيص وراثي. في هذه الدراسة تم وصف مجموعة من 147 مريضا من 93 عائلة مصابين بأشكال مختلفة من مرض صغر مقلة العين (بما فيها اصابة مقلة العين الخلفية) ويوجد بينهم قرابة شديدة. تم التشخيص الوراثي باستخدام تقنيات مثل الجيل التالي من تسلسل الجينات المتعددة والتسلسل الكامل exome للأكسوم والتنميط النووي الجزيئي.

النتائج الرئيسية

- تم تحديد الطفرات الوراثية المسببة للمرض في غالبية المشاركين في الدراسة (61 %) مصابين بصغر مقلة العين و (82 %) يعانون من صغر مقلة العين الخلفية. في هذه الدراسة تم تحديد 55 طفرة منها 15 طفرة جديدة. الطفرات المكتشفة تشمل 24 جين مسببة لأمراض معروفة ولكن بعضها لم يكن مرتبطاً أو مرتبط بطريقة نادرة بهذا المرض مثل (PAX6, SLC18A2, DSC3 and CNKSR1)
- حددت الدراسة طفرات جديدة مثيرة للاهتمام في مورثين مسببان لل microphthalmia وهما (MYO10 and ZNF219) والذين لم يتم ربطهما بأي من الأمراض الأخرى.

تم نشر هذا البحث في المجلة العلمية American Journal of clinical Genetics

Genetic investigation of 93 families with microphthalmia or posterior microphthalmos. Patel N, Khan AO, Alsahli S, Abdel-Salam G, Nowilaty SR, Mansour AM, Nabil A, Al-Owain M, Sogati S, Salih MA, Kamal AM, Alsharif H, Alsaif HS, Alzahrani SS, Abdulwahab F, Ibrahim N, Hashem M, Faquih T, Shah ZA, Abouelhoda M, Monies D, Dasouki M, Shaheen R, Wakil SM, Aldahmesh MA, Alkuraya FS. Clin Genet. 2018 Jun;93(6):1210-1222. doi: 10.1111/cge.13239. Epub 2018 Mar 25. PMID: 29450879.

التوصيف الوراثي لأمراض الصمم وضعف السمع

تم نشر هذه النتائج في ورقتين علميتين.

Evidence for an autosomal recessive pattern of inheritance in Keratitis-ichthyosis-deafness (KID) syndrome: Exome sequencing reveals a novel homozygous GJB2 mutation. Khushnooda Ramzan, RozeenaHuma, Nouf S.Al-Numair, Faiqalmtiaz, MoeenaldeenAl-Sayed. Meta Gene Volume 19, February 2019, Pages 15-22.

Utility of whole exome sequencing in the diagnosis of Usher syndrome: Report of novel compound heterozygous MYO7A mutations. Khushnooda Ramzana, Mohammed Al-Owainb, Rozeena Humab, Selwa A.F. Al-Hazzaa, Sarah Al-Ageele, Faiqa Imtiaz, Moeenaldeen Al-Sayed. Int J Pediatr Otorhinolaryngol. 2018 May;108:17-21. doi: 10.1016/j.ijporl.2018.02.016. PMID: 29605349

الإنجازات خلال العام ٢٠١٨م

- مازالت الجهود متواصلة لتحديد الأساس الجيني للصمم المورث بصفة متنحية في السعوديين، حيث تم إضافة 128 شخصاً من 25 عائلة بالتعاون مع عيادات الوراثة بمستشفى الملك فيصل التخصصي ومركز الأبحاث.
- بلغ العدد الإجمالي للمشاركين بالمشروع 1011 حالة إلى نهاية عام 2018م. جميع الحالات المنضمة تمت مراجعتها من قبل عيادة علم الوراثة مع تسجيل التاريخ السريري والعائلي الكامل. بالإضافة إلى أخذ موافقة خطية منهم للمشاركة في المشروع وتم توثيق هذه الموافقة.
- تم تحديد 23 طفرة إضافية في 10 مورثات مختلفة في هذه العائلات. منذ بداية المشروع وإلى الآن، تم تحديد 57 طفرة في 24 مورث مختلف ومسبب للمرض.
- تم الانتهاء من التصميم والتحقق الأولي من رقائق (لائحة) الجينات الخاصة بالصمم.
- ساهمت نتائج هذا العمل في إدراج 57 طفرة وراثية ضمن الفحوصات الوراثية المرضية وكذلك اختبار ما قبل الزواج.

يصنف الصمم وضعف السمع من الإعاقات الأكثر انتشاراً بالمملكة العربية السعودية، حيث تشير التقديرات إلى أن معدل الإصابة يبلغ ثلاثة أضعاف المعدل العالمي نظراً لعوامل وراثية أو بيئية. إن الصمم وضعف السمع يعد من الأمراض المتغايرة إكلينيكيًا ووراثيًا. فخلال العقد الماضي، تم تحديد العديد من المسببات الوراثية للصمم الوراثي.

الأهداف الرئيسية للمشروع:

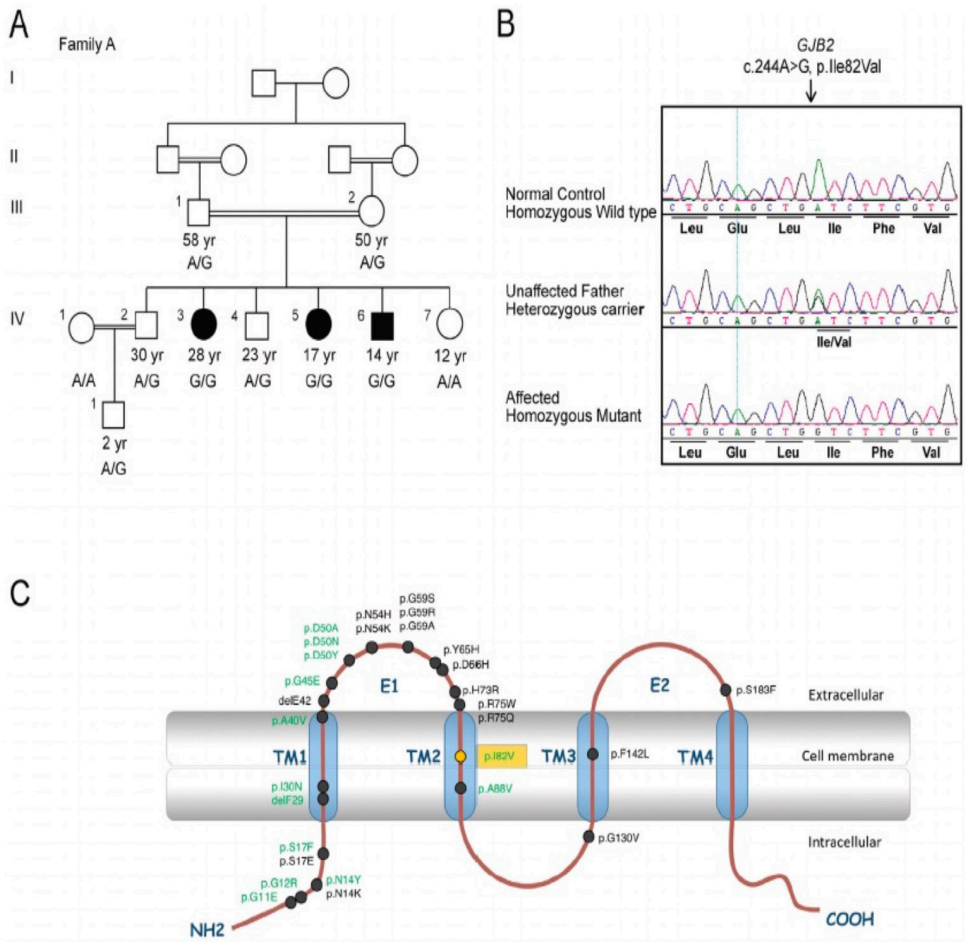
- إجراء الدراسات السريرية للمصابين بالصمم وضعف السمع الوراثي والقيام بالفحص الوراثي لهم ولعائلاتهم.
- التعرف على الطفرات المسببة للمرض في العوائل تحت الدراسة.
- استخدام التقنيات الحديثة في تحديد التسلسل القاعدي للتعرف على موروثات (جينات) جديدة مسببة للمرض، وتقنية الربط العائلي والبحث عن المتماثلات الوراثية في العوائل التي فيها أكثر من شخص مصاب، بالتزامن مع استخدام تقنية تحديد التسلسل القاعدي لحالات الصمم الفردية غير الوراثية.
- تصميم رقائق خاصة لتحديد التسلسل القاعدي خاصة بالموروثات المسببة لمرض الصمم الوراثي Ton AmpliSeq™ ، والتي ستستخدم بإذن الله في تشخيص العديد من حالات الصمم وضعف السمع.

التوجهات المستقبلية

سيستمر الفريق البحثي بتعيين المزيد من الأشخاص والأسر التي تعاني من الصمم وضعف السمع للمساعدة في تحديد الطفرة المسببة للمرض. بالإضافة إلى ذلك، سيتم الانتهاء من تحليل الأسر المسجلة حالياً. كما وأنه سيتم تسريع تحديد الطفرات المسببة للصمم في مرضانا باستخدام لائحة الجينات الخاصة بالصمم (Ion Torrent).

من المتوقع أن يستمر التوسع في البحث عن الطفرات المرضية وتحديد جينات جديده مسببة للصمم الوراثي باستخدام تقنية تحديد التسلسل القاعدي. سيتم استخدام هذه التكنولوجيا على وجه الخصوص للمرضى الذين لم توجد لديهم الطفرات المعروفة المسببة للصمم.

Gene	Mutation	Amino acid change
MYO7A	c.2005C>T	p.R669*
MYO7A	IVS1+5G>A (c.1+470G>A)	
MYO7A	c.3592_3591delCT	p.C1198Rfs*30
MYO7A	c.4503_4502delTG	p.V1501Gfs*2
MYO7A	c.5617C>T	p.R1873W
MYO7A	c.4818_4818delG	p.K1606Nfs*39
MYO7A	c.6230_6229 insG	p.K2078Efs*50
MYO7A	c.4818_4818delG	p.K1606Nfs*39
MYO7A	c.2489G>A	p.R830H
MYO7A	c.5617C>T	p.R1873W
MYO7A	c.3588_3586delCTT	p.F1963del
MYO7A	c.199_198insA	p.Val67Ser fs*73
MYO7A	c.1226_1219del	p.Phe407Cys fs*36
MYO7A*	c.3514T>A	Y1172N
MYO7A*	c.6062A>G	K2021R
MYO7A*	c.3592 T>C	p.C1198R
OTOF	IVS 1+39 G>T (c.1+4960G>T)	N/A
OTOF	c.5375G>A	p.R1792H
OTOF	c.1544T>C	I515T
SLC26A4	c.1253G>T	p.G418V
SLC26A4	c.1199_1197delT	p.C400Vfs*32
SLC26A4	IVS1+12 G>A	
SLC26A4	c.1198delT	p.C400VfsX32
TMC1	c.100C>T	p.R34*
TMC1	c.1714G>A	D572N
TMC1	c.758C>T	S253F
MYO15A	c.1047C>A	p.Y349*
MYO15A*	c.8552C>T	A2851V
MYO15A*	c.1+4655G>A(IVS1+14G>A)	
MYO15A*	c.4240G>A	p.E1414K
HGF	c.2083C>T	p.R695C
HOXA1	c.176_175insG	p.V59Gfs*119
LARS2	c.457A>C	p.N153H

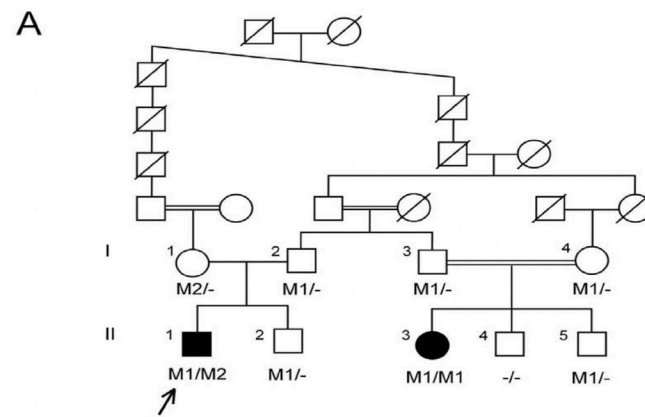


توزيع افراد العائلة المصابين بالمرض اضافة الى توضيح الطفرات في مورث Connexin 26 المؤدي الى فقدان السمع المرتبطة بمشاكل الجلد

(A) Pedigree and the genotypes of family members with autosomal recessive KID syndrome. (B) GJB2 Sequence chromatograms of normal control. (C) Connexin 26 mutations causative for several syndromic forms of hearing loss associated to skin problems.

Gene	Mutation	Amino acid change
LHX3	c.437G>T	p.C146F
LHX3	c.466C>T	p.R156*
CLDN14	c.191G>A	p.C64Y
PCDH15	c.4711C>T	p.Q1571*
PEX6	c.290T>G	p.V97G
ATP6V1B1	c.1424G>A	p.W475X
GJB2	35delG	N/A
CDH23	c.1052C>T	p.P351L
CDH23	c.5495G>A	p.G1832E
CDH23*	c.3608A>T	D1203V
CDH23*	c.6367G>A	G2123R
CDH23*	c.6629 C>T	p.P2210L
GIPC3	c.122C>A	p.T41K
ILDR1	c.333_325dupAATGAGCCC	p.Asn109_Pro111dup
PJKV	c.818dupT	p.L273fs
PTPRQ	c.1+4093 G>A	
SLC29A3	c.243del A	p.k81NfsX20
MYO6	c.1607C>G	p.P536R
SCARF2	c.773G>A	p.C258Y
USH2A*	IVS1-3 G>C	
USH2A*	c.1-486 G>C	
PEX6	c.290T>G	p.V97G
OTOA*	c.2+398 T>A	
OTOA*	c.2204A>G	p.Y735C

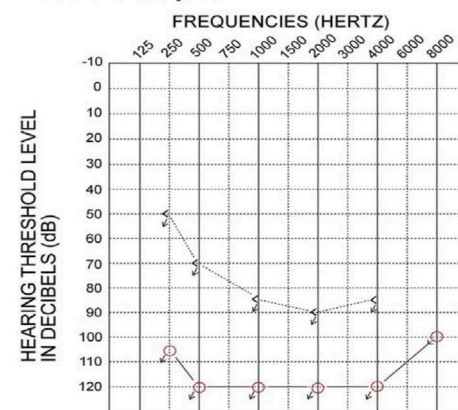
الجدول: وصف الطفرة المرضية لكل جين للمرضى المنضمين في هذه الدراسة والمصابين بالصمم و الوراثي و منحدرين من عائلات مختلفة. تشير الصفوف المكتوبة باللون الأحمر إلى الطفرات المكتشفة في السنة الحالية للتقريرالمرحلي. بينما الرمز (*) تم استخدامه لتحديد الطفرات الجديدة المكتشفة لأول مرة في هذه الدراسة.



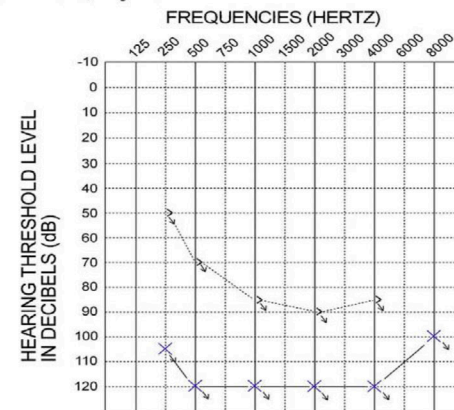
التوصيف الوراثي لمتلازمة اوشر (USH) هي مجموعة من الاضطرابات ، تتميز بفقدان السمع الحسي العصبي الخلقي الثنائي (SNHL).

(A) Pedigree of the family showing the segregation of MYO7A mutations with Usher syndrome.

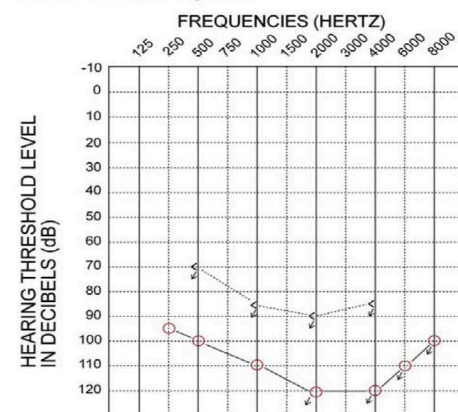
B Patient II:1, 5 years



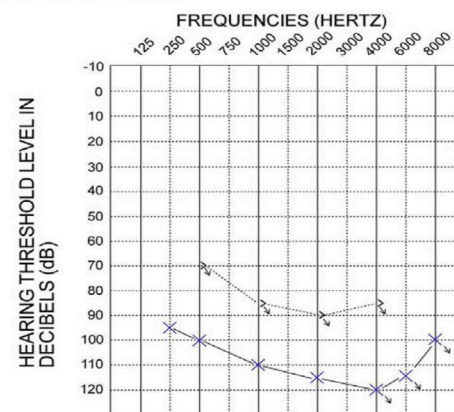
Patient II:1, 5 years



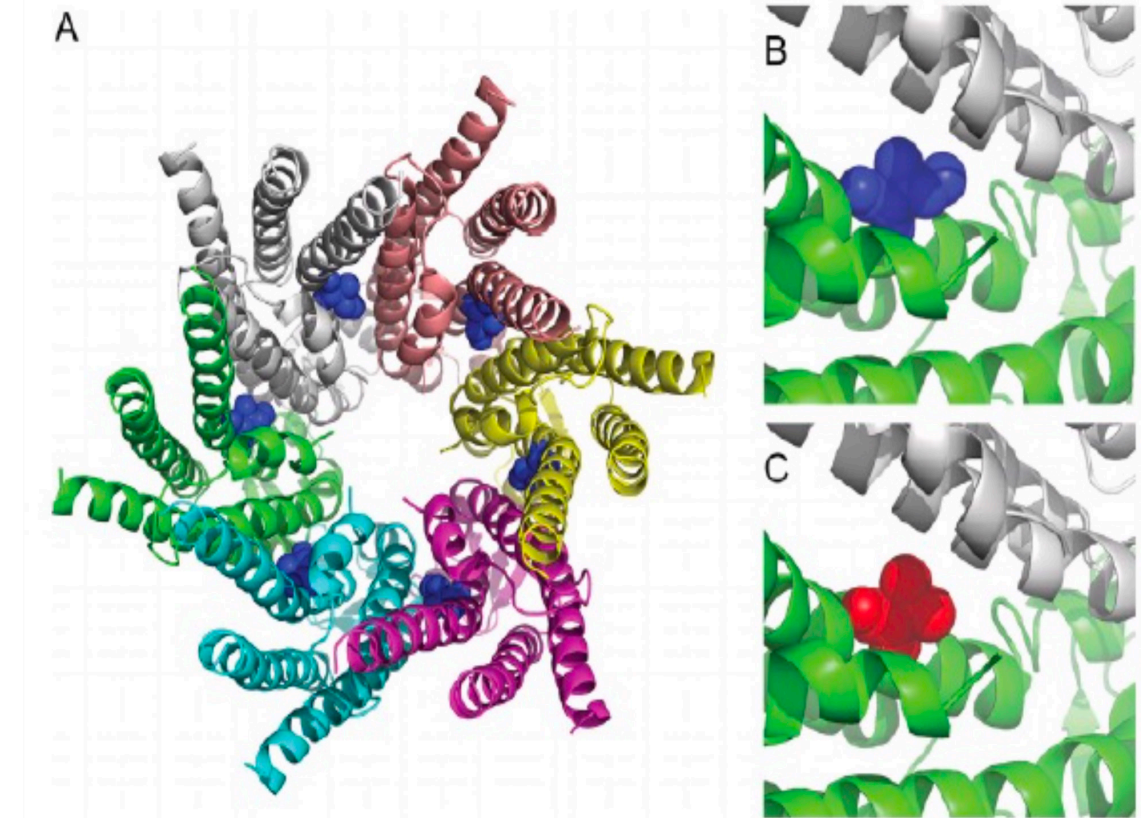
Patient II:3, 3.5 years



Patient II:3, 3.5 years

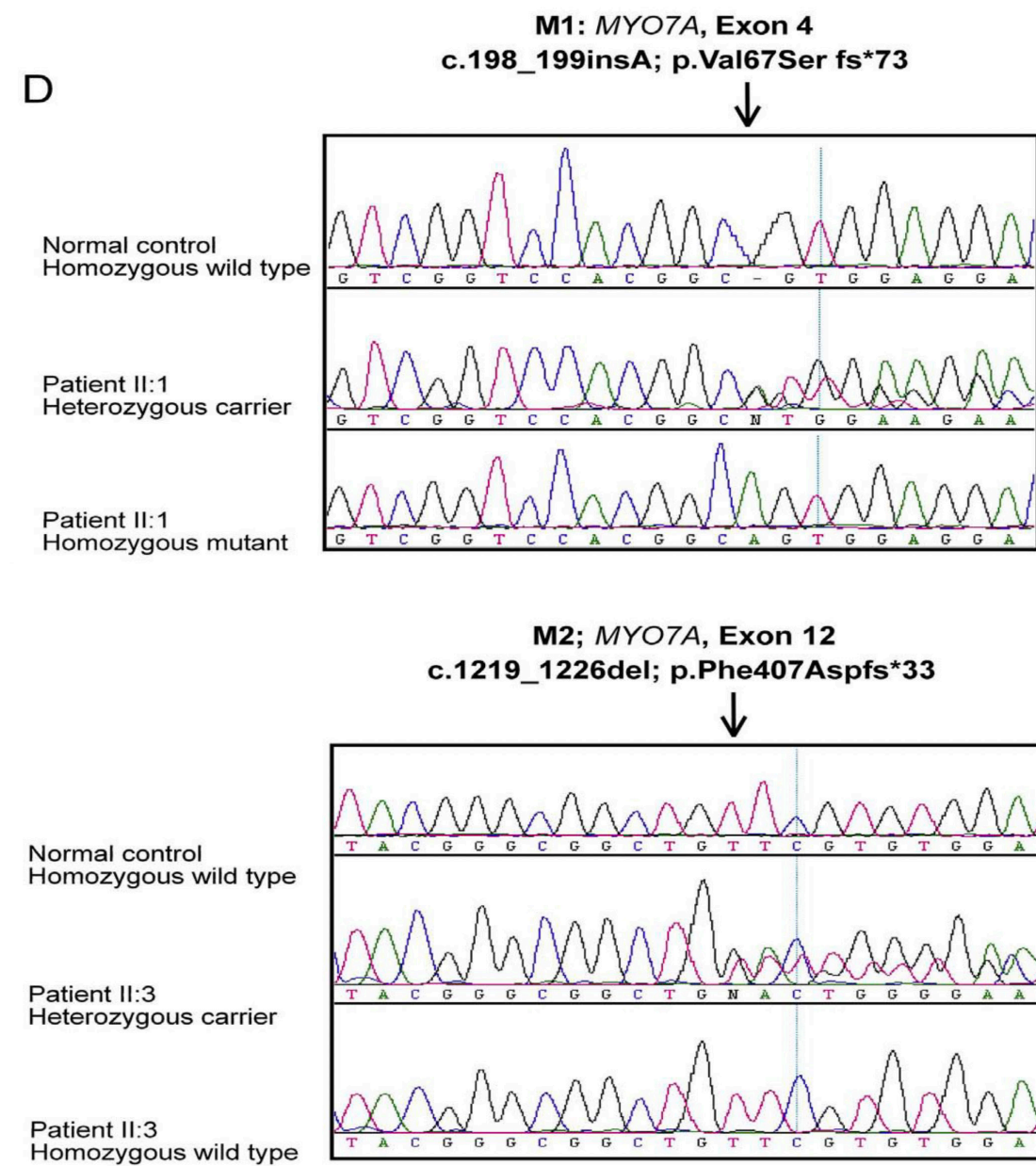


(B) Representative pure-tone air and bone conduction audiometric results of Patients II:1 and II:3.

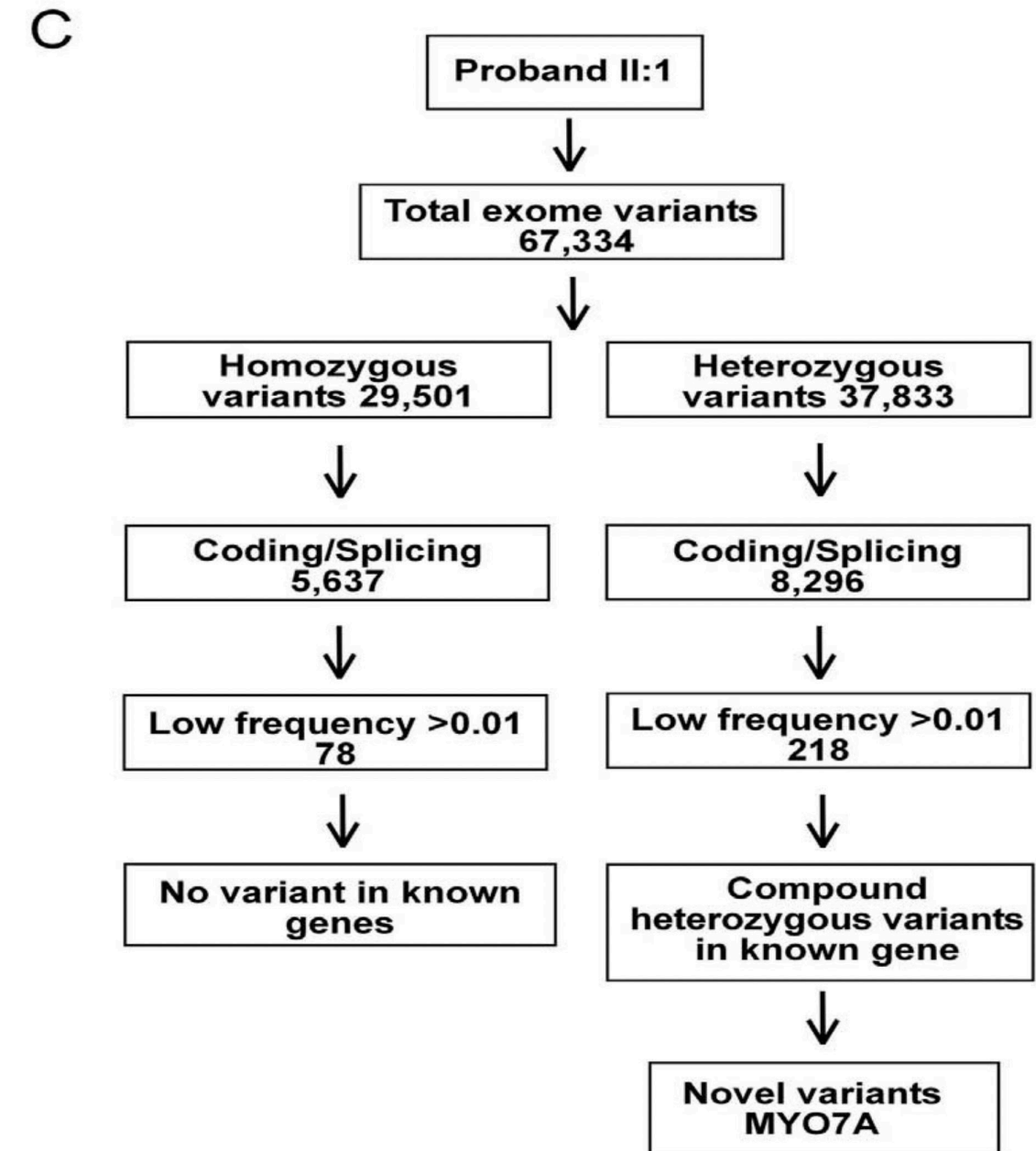


تركيبية الجين 26 Connexin

(A) The Connexin (6 subunits) and the oligomerization pattern of Cx26 hexameric chains are depicted. (B and C) show the structures of the wild-type residue.



(D) Electropherograms showing the Sanger sequencing confirmation of the mutations identified in the proband by CES. (E) A full-length wild type myosin-VII A protein structure.



(C) Novel variants in MYO7A were detected as the only possibly causative variants.

